Mateus Lucas Falco

Cientista Biomédico · Bioinformática e Genômica

matlucfalco@gmail.com · mateusfalco.github.io · ORCID 0000-0002-0210-2612 · linkedin.com/in/mateusfalco

Resumo

Cientista Biomédico com especialização em microbiologia e biologia molecular, doutorando em Ciências Farmacêuticas (Unicentro) e MBA em Data Science & Analytics (USP/Esalq). TT5 em Bioinformática no Laboratório de Ontogenia e Epigenética (Departamento de Farmácia, Unifesp). Atuação em bioinformática, biologia computacional e genômica, com foco em fluxos de trabalho escaláveis, genômica tumoral e variant calling. Fundador da Genobit e Nextflow Ambassador.

Formação

- **Doutorado em Ciências Farmacêuticas** — Universidade Estadual do Centro-Oeste (Unicentro). Em andamento.
- **MBA em Data Science & Analytics** — USP/Esalq. Em andamento.
- **Mestrado em Microbiologia** — Universidade Estadual de Londrina (UEL).
- **Graduação em Biomedicina** — Universidade Estadual de Londrina (UEL).

Atuação

- **TT5 · Treinamento Técnico nível 5 em Bioinformática** — Laboratório de Ontogenia e Epigenética, Departamento de Farmácia, Universidade Federal de São Paulo (Unifesp). Atual.
- **Fundador** — Genobit, Soluções em Dados Biológicos (startup incubada na INTEG/Unicentro). www.genobit.net · contato@genobit.net
- **Nextflow Ambassador** — Seqera / comunidade Nextflow. nextflow.io/our_ambassadors
- **Bioinformática e bancada** — Programa Genomas Paraná (NAPI Genômica, Unicentro, IPEC Guarapuava). 2022–2026.
- **Professor** — Centro Universitário Uniguairacá: imunologia clínica, bacteriologia clínica e bioquímica clínica. Anterior.

Competências

Nextflow, nf-core, Snakemake · NGS, variant calling, metagenômica · R, Python, Bash · Linux, HPC e computação em nuvem · Ciência de dados e estatística.

Publicações selecionadas

- **Falco, M. L.**; Ribeiro, R. R.; Carraro, E.; Figueiredo, D. L. A.; Khalil, N. M. Absolute Microbial Abundance and Causal Inference as Foundations for a One Health Roadmap in Colorectal Cancer Diagnostics. *Brazilian Archives of Biology and Technology*, v. 69, e26260111, 2026.
- de Souza Rodrigues, M. R.; da Silva, I. M.; Leite Vacario, B. G.; …; Koike, A.; **Falco, M. L.**; Guembarovski, R. L.; et al. Genetic variants in 8-oxoguanine DNA glycosylase 1 (OGG1) and X-ray repair cross-complementing protein 1 (XRCC1) and non-genetic factors are associated with bladder cancer susceptibility and prognosis in a Brazilian population. *Journal of Toxicology and Environmental Health, Part A*, p. 1–13, 2026.
- Rosa-Ribeiro, R.; **Falco, M. L.**; de Souza, J. S.; Okamoto, O. K.; Weinlich, R. Unraveling Zika virus-induced cell death pathways in eradicating embryonal central nervous system tumors. *Neuroscience*, 2025.
- Silva, I. M.; Vacario, B. G. L.; …; Barcelos, G. R. M.; **Falco, M. L.**; Losi, R. GLRX2 polymorphism and oxidative stress levels impact urothelial bladder cancer outcomes. *Scientific Reports*, v. 15, 34041, 2025. doi:10.1038/s41598-025-12587-2

Lista completa: Google Scholar.